

お試しキャンペーン2021/9月末のご注文まで。
1サンプル無料、1サンプルでも無料*

安心の
国内ラボ対応

RNA-Seq遺伝子発現解析をもっとお手頃に

DNBSEQ利用でよりお得に。1サンプルからご対応。

価格例 データ量6 Gbの場合		通常価格	キャンペーン価格	
		1サンプルあたり	1サンプルあたり	合計 (sFTP納品込み)
1 サンプル	解析なし	36,000円 (税込39,600円)	0円	0円
	解析あり	46,000円 (税込50,600円)		
2 サンプル	解析なし	36,000円 (税込39,600円)	18,000円 (税込19,800円)	36,000円 (税込39,600円)
	解析あり	46,000円 (税込50,600円)	23,000円 (税込25,300円)	46,000円 (税込50,600円)
6 サンプル	解析なし	35,000円 (税込38,500円)	29,167円 (税込32,084円)	175,000円 (税込192,500円)
	解析あり	45,000円 (税込49,500円)	37,500円 (税込41,250円)	225,000円 (税込247,500円)

送料無料。キャンペーン期間中はsFTP納品費用も無料。20サンプル以上のご注文でさらにお得。

プロモーションコード: **DNBRNA1frJP21** 詳細は裏面をご参照ください。

標準サービスの流れ (全て国内ラボで実施)



ご依頼時の諸事項・ご確認をお願いします

* キャンペーン適用範囲：

プロモーションコード: DNBRNA1frJP21 (CLIMSからのお見積り依頼の際にご入力ください)

- ・ トータルRNA提出、データ目安6 Gb/サンプル、解析なしあるいは簡易解析、sFTP納品。
- ・ 簡易解析ご希望の場合は、お見積り依頼時に特記事項欄にご入力ください。
- ・ 1サンプル無料は、キャンペーン期間中、アカウントあたり1回まで、研究室・研究グループあたり2アカウントまでのキャンペーン申し込みを上限とします。
- ・ サンプルQC不良で再提出をご希望の場合は、送料・QC料金とも実費がかかります。
- ・ データ量の追加、標準解析、ハードディスク納品ご希望の場合は、追加料金がかかります。

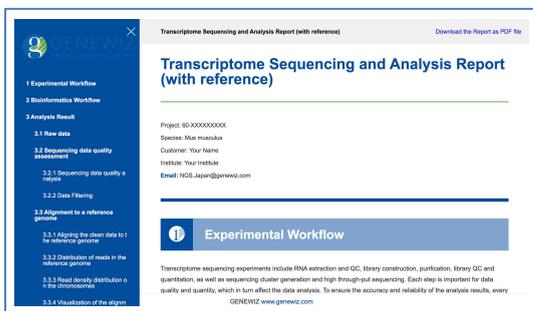
CLIMS
ご利用手順



** その他諸注意事項：

- ・ オプションは別途料金、ライブラリ調製法～シーケンシングプラットフォームのご指定など、内容によってはサンプル受領以降は変更できかねます。
- ・ サンプル発送時には、サンプル情報シートのご提出とCLIMS上でのご注文確定をお願いします。CLIMSのご利用方法は、本誌右上のQRコードより手順書をご参照ください。
- ・ 納期の記載は土日祝日を除く営業日数の目安。サンプル数・データ量により変動することがございます。
- ・ ご提出のRNAサンプルのご返却には原則対応しておりません。

簡易解析納品データ



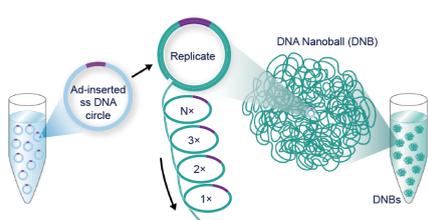
- ・ 解析レポート (html形式)
 - ・ 生データ (FASTQファイル)
 - ・ マッピング結果 (BAMファイル)
 - ・ 遺伝子発現量カウント一覧 (raw count/FPKM/TPM)
- 下記表はraw countの例。遺伝子名、染色体・位置情報を含む。

GeneID	GeneName	Chr	Start	End	Strand	Length	Sample_1	Sample_2	Sample_3
ENSMUSG00000078816	Prkcg	7	3289179	3331099	+	8407	27	54	26
ENSMUSG00000069806	Cacng7	7	3332955	3368221	+	2549	3614	2681	2192
ENSMUSG00000004961	Syt5	7	4539765	4547541	-	2679	30	37	24
...

～ ご確認ください～

簡易解析は、マッピング～カウントまで計算に時間の要する解析部分を弊社で実施するサービスです。NCBI/ENSEMBLにゲノム・アノテーション登録のある生物種のみを対象に弊社規定のパイプラインで解析します。サンプル間での遺伝子発現変動解析などの二次解析は、必要に応じてお客様の方で行う必要がございます。解析サポートが必要なお客様は『標準解析』をご依頼ください。

DNBSEQ-G400プラットフォーム



一本鎖環状DNAライブラリからローリングサークル増幅によりDNAナノボールを生成。常に元の分子をテンプレートとして増幅することでエラーの蓄積を軽減。標準出力はFASTQ形式のため、基本的に既存のパイプラインで解析が可能です。



弊社国内ラボでは2020年より導入、サービス開始。

これまでにRNA-Seqのほか、全ゲノム解析、10x Genomicsシングルセル解析およびVisiumライブラリのシーケンシングを実施。その品質と費用対効果で大好評をいただいております。

仕様	リード数/レーン	データ量/レーン	品質 (Q30)
150 bp PE	3.5~4.5億PEリード	105~135 Gb	>85%

* データ出力・品質はライブラリの特性により影響を受けるため目安となります。保証するものではありません。

日本ジーンウィズ株式会社

〒142-0043 東京都品川区二葉二丁目9番15号 NFパークビルディング 4F
TEL. 03-6628-2950 FAX. 03-6628-2951
E-mail. NGS.Japan@genewiz.com

www.genewiz.com/ja-JP

取扱店・代理店記入欄

NGS25FL-R0-2106TC