



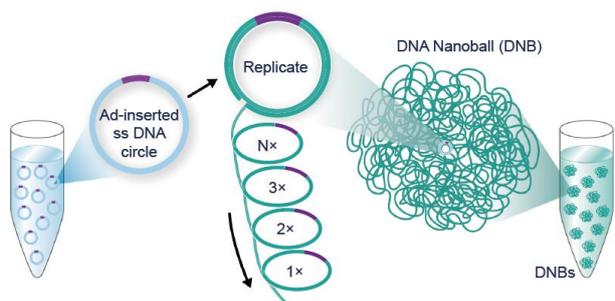
決算セール!!

DNBSEQ RNA-Seq キャンペーン開催中



標準RNA-Seq 1サンプルあたり ¥21,500

プロモーションコード：JNGS25-DNB25SEP 2025年9月末のご注文まで



- ✓ 一本鎖環状DNAライブラリからローリングサークル増幅によりDNAナノボールを生成
- ✓ 常に元の分子をテンプレートとして増幅することでエラーの蓄積と重複率を低減
- ✓ 標準出力はFASTQ形式のため、基本的に既存のパイプラインで解析が可能



MGI tech DNBSEQ-G400

■ ストランド特異的RNA-Seq解析

価格を抑えつつ高品質なデータを取得します。RNA抽出、データ増量、rRNA枯渇法、バイオインフォマティクス解析などのオプションもご利用いただけます。

サービス名	解析仕様	納期 (営業日)	1サンプルあたりの 税抜参考価格
ストランド特異的RNA-Seq	ストランド特異的、ポリA選択法、6Gb (2千万ペアリード)、FASTQ	25	¥21,500 ¥25,000 (4サンプルから承ります)
rRNA枯渇法 (オプション)	ヒト/マウス/ラット対象	-	+¥11,000
基本解析 (オプション)	マッピングとTPM/FPKM算出まで	+5 ~ 10	+¥5,000
標準解析 (オプション)	基本解析 + 発現比較解析、PCA解析、GO解析など	+5 ~ 10	+¥10,000

■ お役立ち情報

アカウント登録
&
ご注文方法



サンプル提出
ガイドライン



ライブラリ
サンプル提出
ガイドライン



■ 調製済みライブラリ シーケンシング解析

手頃なデータ出力量で占有シーケンスができます。研究サイズに合わせてご選択ください。

サービス名	解析仕様	納期 (営業日)	1 サンプルあたりの 税抜参考価格
レーン占有	2x150bp, ~120Gb ~400M PE リード	20	¥92,000/lane
フローセル占有	2x150bp, ~480Gb ~1,600M PE リード	20	¥335,000/Flowcell
フローセル占有、短納期	2x150bp, ~480Gb ~1,600M PE リード	10-15	¥402,000/Flowcell

*別途ライブラリQC費用 ¥5,800/サンプルがチャージされます。

*Stereo-seqライブラリでは、読取リード長が異なります。専用DNB形成費用がチャージされます。

■ DNBSEQ-G400シーケンシングの適用例

MGIライブラリだけでなく、イルミナライブラリでもコンバージョンすることでシーケンスが可能。その品質とコストパフォーマンスで好評をいただいております。

アプリケーション	サンプルあたりの 標準データ量	レーン or フローセルあたりの サンプル数目安
バルクRNA-Seq (高等哺乳動物)	~6Gb (2x150bp) ~2000万 PE リード	1レーンに20検体
WGS (ヒト、生殖系列変異解析)	~90Gb (2x150bp)	1フローセルに5検体
10x 3' / 5' シングルセルRNA-Seq (1万細胞対象、細胞あたり3万リード)	3~4億 PE リード	1レーンに1検体
10x Visium HD 3' 空間解析 (70% Capture Area)	~3.85億 PE リード	1レーンに1検体
STOmics Stereo-seq空間解析 新鮮凍結 v1.3	12億 PE リード	1フローセルに1チップ
STOmics Stereo-seq空間解析 FFPE v1.3	24億 PE リード	2フローセルに1チップ

■ 料金・納期・サンプル提出要件等の詳細：ご利用前に必ずご確認ください

- 検体発送前に、弊社オンライン注文ポータルCLIMSからのお見積り依頼をお願い致します。作業開始には見積り番号および検体情報が必須となります。
- 別途納品費用として、ダウンロード ¥ 3,000 (100Gbごと)、またはハードディスク ¥ 25,000 (1Tb) がかかります。
- 検体のご返却はいたしません。必要量のみをご送付ください。
- 納期は、アプリケーション、提出物、難度により変わります。詳細はお問い合わせください。



GENEWIZ™(アゼンタ株式会社)
〒142-0043 東京都品川区二葉二丁目9番15号
NFパークビルディング4階
電話：03-6628-2950 (平日 9:00~18:00)
FAX：03-6628-2951
メール:sales.japan@azenta.com
ウェブ:www.genewiz.com/ja-JP

取扱店・代理店 記入欄