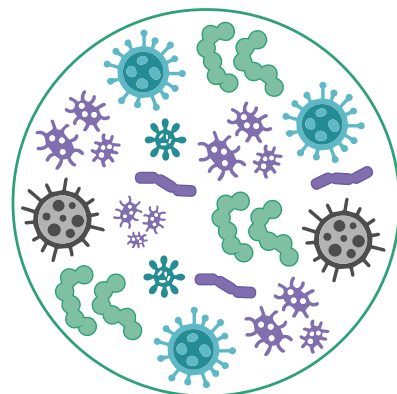




微生物ゲノム解析ソリューション

■ 幅広い解析手法で微生物研究を強力に支援

GENEWIZ™(アゼンタ株式会社)の微生物ゲノム解析サービスは、グローバルの豊富なリソースと確かな技術を活かし、幅広い分野の研究を効率的に進めるための高精度な解析を提供します。細菌/真菌の同定を行うターゲットアッセイから、微生物叢や単一サンプルを詳細に調べられる全ゲノムシーケンスまで、研究目的に合わせて柔軟に選択いただけます。国内でサンプル処理し、解析は海外ラボの専門体制で実施します。多様なサンプルに対応し、便利で高品質な解析をワンストップで提供します。



■ ニーズに応じて各種アプリケーションをご用意

	16S/18S/ ITSメタゲノム 解析	16S rRNA 全長解析	全メタゲノム シーケンシング	細菌ゲノムの 完全マップ解 析	菌種同定	メタトランス クリプトーム
サンプルタイプ	群/叢	群/叢	群/叢	単一種	単一種	群/叢
分類学的階層	属/種	種/亜種	種/株レベル	株レベル	種/亜種	属/種
シーケンス領域	16S rRNA V3- V4, 18S V7-V8, ITS2	16S rRNA V1- V9	全ゲノム	全ゲノム	16S rRNA 又 は ITS	全転写産物
シーケンス プラットフォーム	イルミナ	PacBio	イルミナ	イルミナ + Pacbio	サンガー法	イルミナ
コスト	¥	¥¥	¥¥	¥¥¥	¥	¥¥¥
納期 (営業日)	20 ~ 25	20 ~ 25	20 ~ 25	20 ~ 25	最短 3	25 ~ 30

* 納期は核酸サンプルQCパス後からの起算です。海外ラボ解析の場合は、国際輸送期間（~5営業日）が加算されます。

■ 受入可能な提出物



gDNA & RNA



アガープレート



グリセロール
ストック



菌体ペレット



糞便 & 腸内物



土壌



水

核酸抽出実績豊富です。その他のサンプルもお問い合わせください。ガイドラインはアプリケーションごとに異なります。

16S/18S/ITSメタゲノム解析

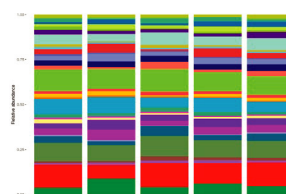
菌群集サンプルに含まれる細菌/真菌の種類や存在比を属・種レベルで同定。
標準でα/β多様性解析、LEfSE解析まで実施。

GENEWIZ標準データ量・出力の目安

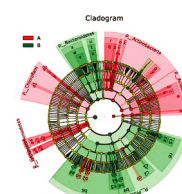
2x250bp, 40-50kリード/サンプル

提出物：ゲノムDNA、OD260/280=1.8-2.0、総量>50 ng、濃度>5 ng/μl

参考価格：¥15,800 /検体



各サンプルでの
細菌種の存在比



LDA Effect Size解析

16S rRNA 全長解析による細菌叢解析

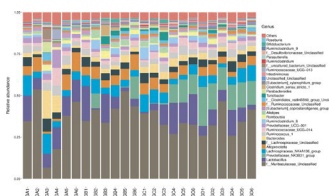
V3-V4可変領域のみを対象にした解析では困難な
より種レベルに近い細菌叢の分類同定が可能

GENEWIZ標準データ量・出力の目安

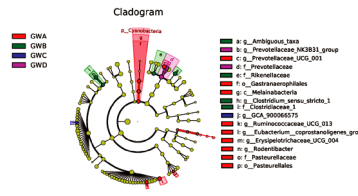
6K HiFiリード/サンプル

提出物：ゲノムDNA、総量≥30 ng、濃度≥2 ng/μl

参考価格：¥47,300 /検体



各細菌種の相対的豊富度



LDA Effect Size解析による
サンプル間での相違の可視化

細菌ゲノムの完全マップ解析

ショートリードによるエラー補正とロングリードの組み合わせでより完全な新規配列同定を実施します。高品質な参照ゲノム構築に有用です。

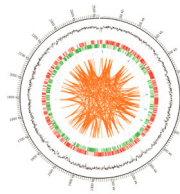
GENEWIZ標準データ量・出力の目安

ロングリード：15x HiFiリードカバレッジ

ショートリード：100x カバレッジ

提出物：ゲノムDNA、総量≥5 μg、濃度≥60 ng/μl、断片サイズ≥10 kb

参考価格：¥183,800 /検体



Genome circular plot

- アセンブルされたゲノムから遺伝子予測とアノテーションを実施
- ゲノム・遺伝子領域、GC含量、リピート部位の概要を表示

全メタゲノムシーケンシング

様々な微生物群集から直接抽出したゲノムDNAを網羅的に
シーケンスし、遺伝子の構成や機能の解析、菌種の同定など
を同時に行えます。

GENEWIZ標準データ量・出力の目安

2x150bp, 10Gb/サンプル

提出物：ゲノムDNA、総量>50 ng、濃度>5 ng/μl

参考価格：¥30,000 /検体

細菌・真菌種同定

16S/ITS rRNA遺伝子をサンガーシーケンスで解析して菌種を同定します。菌株の評価や管理に有用です。

提出物：単一かつ分離されたコロニーをもつアガープレート

*ご提出には三重梱包が必須です

参考価格：¥4,200 /検体

- * 記載のないアプリケーションについては、お問い合わせください。アプリケーションの納品デモレポートもご用意しております。ご相談ください。
- * 参考価格は全て、核酸サンプルから、シーケンス解析+標準データ解析込みの税抜き価格です。

メタトランスクリプトーム

群集内微生物の全転写産物を解析し、機能的な発現動態を明らかにする手法です。微生物の代謝状態や機能解析に有用です。

GENEWIZ標準データ量・出力の目安

2x150bp, 6Gb/サンプル

提出物：全RNA、総量>3 μg、濃度>100 ng/μl、DNase処理必須

参考価格：¥120,000 /検体

サンプル提出ガイドライン



アカウント登録



GENEWIZ™ (アゼンタ株式会社)

〒142-0043 東京都品川区二葉二丁目9番15号
NFパークビルディング4階

電話：03-6628-2950（平日 9:00～18:00）

FAX：03-6628-2951

メール：sales.japan@azenta.com

WEB：www.genewiz.com/ja-JP

取扱店・代理店 記入欄