

アゼンタ人工遺伝子合成受託サービス CLIMSオンラインご注文システムのご利用手順



弊社ウェブサイトを表示
(<https://www.azenta.com/ja-JP>)

アカウントをお持ちのお客様は『ログイン』をクリックしてユーザー名、パスワードをご入力

アカウントをお持ちでないお客様は『ユーザー登録』をクリックして必要事項をご記入、ご提出ください。登録が完了いたしましたらメールでお知らせいたします。

アカウントにログイン

ユーザー名

パスワード

ログイン状態を維持しますか? **ログイン** **登録**

パスワードをお忘れですか?

基本情報

電子メール

お名前 (漢字)

お名前 (ローマ字)

パスワードの入力 パスワードの確認

住所

国

郵便番号 郵便局名

市区町村

建物

☑ 電話番号 +81 市内番号 内線

〒XXXXXXXX

請求先情報

請求先住所

提出

CAPTCHA

提出

ご注文・お見積り依頼の前に

アカウント作成が完了しましたら、ご注文・お見積り依頼の前にプロフィール情報の入力を完了してください。画面上部に表示されるお客様名へマウスオーバーしていただくことで、以下のメニューが表示されます。プロフィールをクリックし、お客様のプロフィール情報をご確認ください。



プロフィール

お名前 (漢字) * お名前 日本語表記

お名前 (ローマ字) * Name Alphabet

電子メール * best.jp1220@gmail.com

☑ 電話番号 +81 市内番号 XXXXX 内線

PI / 登録ID 331662084

PI / グループリーダーの電子メール

PI / グループリーダーの氏名 (漢字) * PI お名前 日本語表記

PI / グループリーダーの氏名 (ローマ字) * PI Name Alphabet

ラボマネージャーの電子メール

お客様情報の変更リクエスト

所属先情報

所属先 / 担当氏名

会社名 / 施設名

国

郵便番号

郵便局名

市区町村

建物

address 1

address 2

address 3

電話番号 +81 市内番号 XXXXXX 内線

請求書宛先情報

請求書宛先が商品発送先と同じ場合はこちらにチェックを入れてください。

請求先住所の企業リクエスト

所属先 / 担当氏名

会社名 / 施設名

国

郵便番号

郵便局名

市区町村

建物

address 1

address 2

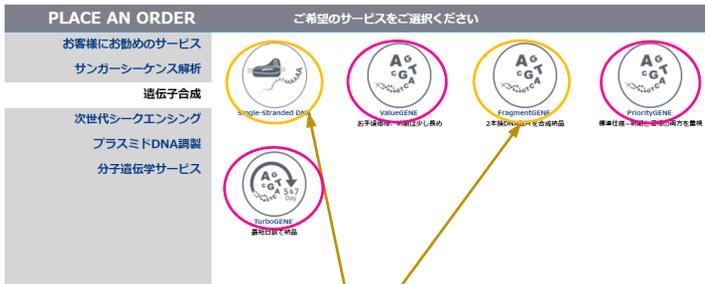
address 3

所属先住所の企業リクエスト

キャンセル

入力必須項目は * で表示された項目となります。請求書宛先情報の下に表示されているチェックボックスをクリックし、アカウント登録時にご入力いただいたお客様情報を請求書宛先情報へ反映させてください。なお、お客様のPIが既に弊社アカウントをお持ちの場合には、価格情報を紐付けるため、PIのお客様の情報を弊社までご連絡ください。

0.



ssDNA (single stranded DNA) およびFragmentGENEサービスは、
 “配列名”ならびに”配列情報”を
Project.Japan@azenta.comまでメールにてご連絡ください。
 いただいた内容に基づき、お客様アカウントへのご注文準備をさせていただきます。なお、システムからのお見積り提示に対応していないため、お見積書は電子メールにてご案内いたします。

ご注文内容の入力

1. 注文名

注文に関するコメント

Special ID

納期のオプション* PriorityGENE ▼
 グローバル仕様 (チェック不要)

プロモーションコード

クーポンコード

追加文書 | Additional Documents (オプション) ← ご注文内容に関する補足資料がある場合には、こちらからアップロード。

2. 配列の種類* DNA ▼

配列名*

5'側配列の追加

3'側配列の追加

ベクター pUC57-Ken, free of charge ▼

DNA調製スケール Mini Scale, free of charge ▼

クリセロールストック納品 (お選びいただけません。ご了承ください)

カスタムベクターへのクローニングをご希望の場合には以下の情報が入力必須となります。

- ✓ ベクター名
- ✓ クローニングで使用する制限酵素サイトの指定
- ✓ ベクターの薬剤耐性遺伝子
- ✓ ベクター提出の必要性の有無

キャンセル 下書きとして保存 保存して次へ進む

3.

0. ご希望のサービスをご選択ください。

ご依頼の配列について合成が困難と推測される配列が含まれていた場合には、ご依頼のサービスタイプからの変更のご提案をさせていただく場合がございますので、予めご理解いただきますようお願いいたします。

サービス名	特徴
TurboGENE	短納期
PriorityGENE	バランス
ValueGENE	納期は少し長くお手頃価格
PlentyGENE	価格重視

PlentyGENEサービスをご希望の場合は、お見積り依頼時、『注文に関するコメント』欄へ“PlentyGENE”とご記載ください。なお、**PlentyGENEサービスは、10本以上**の場合に適用可能となります。

1. 基本情報をご入力ください。

注文名 (任意入力)
 マイオーダー画面では注文名をもとに検索を行うことができます。

注文に関するコメント (任意入力)
 お問い合わせ/ご注文内容等について弊社スタッフへの連絡事項がございましたら、ご入力ください。
PlentyGENEサービスをご希望の場合は、お見積り依頼時、『注文に関するコメント』欄へ“PlentyGENE”とご記載ください。

納期のオプション (選択必須)
 プルダウンより納期オプションをご選択ください。

プロモーションコード / クーポンコード
 利用可能なコードがある場合にご入力/ご選択ください。なお、プロモーションおよびクーポンコードを併用することは出来ません。

2. 必要事項をご記入、ご選択ください。

入力必須項目 配列の種類 : DNA or Amino Acid
 配列名 : 半角英数
 配列 : 合成希望の配列 (5' >3')

コドンの最適化、カスタムベクターへのクローニング、最終コンストラクトとなるプラスミドの大量調製も承っております。本項目のご入力内容に関する詳しい説明は、本資料のXXXページをご確認ください。

3. 『保存して次に進む』をクリックしてください。

注文情報
注文名: 納期のおプション: PriorityGENE
グローバル在庫 (チェック不要): なし

注文内容の表示を全て開く

My Sequence

配列情報	コドン最適化の情報	クローニング情報	調製情報
配列名: My Sequence 配列の種類: DNA 5'側接配列: 3'側接配列:	コドン最適化の種類: なし	ベクター名: My Vector 5'側接配列: EcoRI 3'側接配列: KpnI ベクターのサイズ: 0 抗生物質: Ampicillin マイベクターはGENEWIZに保管されています。	DNA複製スケール: Mini Scale, free of charge グリセロールストック (選択不可): なし

元の配列: 配列を照す

キャンセル 注文内容を編集する **見積もりを依頼する**

4. 『見積りを依頼する』をクリックしてください。

配列情報等のご注文内容を変更する必要がある場合は、『注文内容を編集する』をクリックしてください。本ページにて表示されたご注文内容が正しければ、『見積りを依頼する』をクリックしてください。

5. お見積りをご用意いたします。

システムから『お見積り依頼受領』の通知メールが送信されます。

ログイン画面下部に表示される『マイオーダー』に本ご注文に対応した見積り番号 (60-XXXX) が表示されます。また、記載のご注文状況が『見積待ち』に変更になります。

お問い合わせの内容に基づき、弊社専任のスタッフが お見積りを作成いたします。

弊社の人工遺伝子合成サービスを初めてご利用・お問い合わせのお客様には、お取引形態 (代理店様経由あるいは弊社との直接のお取引) および、代理店様経由のお取引をご希望の場合には、代理店名とご担当者様の情報をお伺いすることがございます。

6. 『お見積り準備完了』をご連絡いたします。

お見積りをご用意、システムにアップロードしましたら、『お見積り準備完了』の通知メールを送信します。

ログイン画面下部の『マイオーダー』に記載のご注文状況が『注文準備完了』に変更になります。

メール本文に記載のリンクをクリックするか、ログイン画面マイオーダーの『お見積りを見る』をクリックするとお見積もりが表示されます。

代理店を介したお取引のお客様につきましては、弊社から提示させていただくお見積りは参考価格となります。正式な見積りは代理店様より発行となりますので、ご注意ください。

7. お見積り内容をご確認ください。

料金、納期、サービス内容、合成する遺伝子の配列、最終コンストラクトの配列を必ず見積り書 (PDF版) でご確認ください。

作業開始後の変更は対応いたしかねますので、ご注文確定前の十分な確認をお願いいたします。ご注文内容を変更してお見積りの再依頼をご希望の場合は、『修正して再提出』をクリックしてください。

PDF版のお見積り書や配列解析結果が必要な場合は『Quote&Sequence Analysis』> Quote (.pdf) をクリックしてください。

8. 『支払い、提出/受取情報の確認』をクリックしてご注文にお進みください。

お見積りの内容を確認いただきありがとうございます。お見積り依頼受付完了。お見積り内容を確認し、3営業日以内に返信させていただきます。しばらくお待ちください。

キャンセル 注文内容を編集する **見積もりを依頼する**

マイオーダー	マイプロジェクト	geneGroup	サービス名	サービスID	サービスの種類	価格	Qty	アクション
ご注文内訳の力加	注文番号	注文名	プロジェクト名	サービスID	サービスの種類	価格	Qty	アクション
2019/05/17 14:00	60-21691857	Demo Order	遺伝子合成	PriorityGENE	PriorityGENE	0	1	お見積りを見る

PLACE AN ORDER

お客様にお勧めのサービス

- サンガーシーケンス解析
- 遺伝子合成
- 次世代シーケンシング
- プラスミドDNA調製
- 分子遺伝学サービス

ご希望のサービス

お見積り

お見積り番号: 60-21691857

お見積り内容を確認する

マイオーダー	マイプロジェクト	geneGroup	サービス名	サービスID	サービスの種類	価格	Qty	アクション
ご注文内訳の力加	注文番号	注文名	プロジェクト名	サービスID	サービスの種類 <td>価格</td> <td>Qty</td> <td>アクション</td>	価格	Qty	アクション
2019/05/17 14:00	60-21691857	Demo Order	遺伝子合成	PriorityGENE	PriorityGENE	0	1	注文準備完了

本人 | 注文の確認 (60-21691857)

注文情報
注文名: Demo Order
納期のおプション: PriorityGENE
グローバル在庫 (チェック不要): なし

注文内容の表示を全て開く

My Sequence

通し番号	サービス	数量	単価	見積り小計
1	人工遺伝子合成 23 kb	1	JPY ¥ 45	JPY ¥ 45
	2 kbの5'側接配列 (0.5 μg)	1	JPY ¥ 0	JPY ¥ 0
	5'側接配列 (0.5 μg)	1	JPY ¥ 0	JPY ¥ 0
	3'側接配列 (0.5 μg)	1	JPY ¥ 0	JPY ¥ 0
	遺伝子合成	1	JPY ¥ 11014	JPY ¥ 11014
	配列 / 子配列	1	JPY ¥ 2000	JPY ¥ 2000
	配列解析	1	JPY ¥ 14999	JPY ¥ 14999

*表示の価格はご注文内容およびサンプル量 (仮見積) に基づくものです。ご注文金額は、サンプル価格に実定となる場合があります。

元の配列: 配列を照す

キャンセル **修正して再提出** **Quote & Sequence Analysis** 支払い、提出/受取情報の確認

Quote (.pdf)
Sequence Analysis (.doc)
FASTA Sequence (.txt)

PDF版お見積り
ご注文配列の分析結果
ご注文配列情報



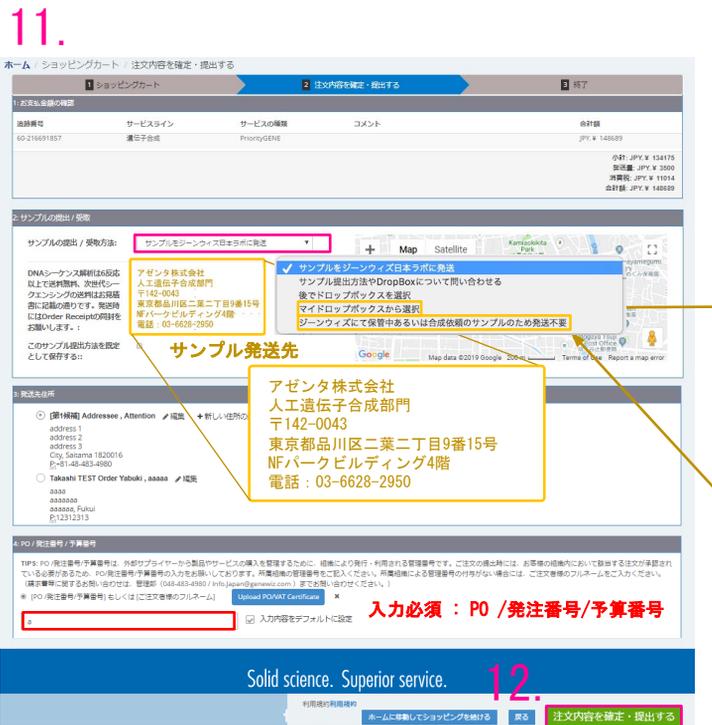
9. 該当するプロジェクトを選択ください。

お見積もり提示済みのプロジェクトが複数ある場合、他のプロジェクトも一覧されます。該当するプロジェクトのみご選択ください。

不要なプロジェクトは、チェックボックスをマークして『削除』をクリックすると削除できます。

10. ご注文にお進みください。

画面右下の緑色のボタン『料金確認と発送・受け取り方法を選択する』をクリックしてください。



11. ご注文の最終ページです。

料金、発送方法、P0 / 発注番号/ 予算番号をご確認ください。

カスタムクロニングをご希望の場合は、ベクターをご発送いただく必要がございます。

すでにDNAサンガーシーケンス解析をDropBoxによる無料集荷サービスとともにご利用されているお客様につきましては『マイドロップボックスから選択』をお選びいただくことも可能です。

弊社提供のpUC57-Amp/Kanベクターや、既にアゼンタにて保管済みのベクターをご利用の場合にはサンプルを提出していただく必要はございません。『アゼンタにて保管中あるいは合成依頼のサンプルのため発送不要』をお選び下さい。

P0 / 発注番号/ 予算番号が不明の場合は、ご注文者様のお名前（フルネーム）をご記載ください。当該入力欄は入力必須項目となっております。

P0 / 発注番号/ 予算番号は、外部サプライヤーから製品やサービスの購入を管理するために、組織により発行・利用される管理番号です。ご注文の提出時には、お客様の組織内において該当する注文が承認されている必要があるため、P0/発注番号/予算番号の入力をお願いしております。所属組織の管理番号をご記入ください。

12. 『注文内容を確定・提出する』をクリックしてご注文を確定してください。



13. ご注文手続き完了。



14. Order Receiptを印刷してください。

ご注文完了後と同じ画面にPDFのご注文書（Order Receipt）が自動で表示されます。サンプルを送送する必要がある場合は、印刷したものを同封するようお願いいたします。

Order ReceiptのPDFが自動で表示されない場合は画面右下の『印刷』をクリックしてください

19. 注文概要ページ



20. 出荷通知



サービス品目：
サービスの種類：
注文番号：

納品物の総数：
当該プロジェクトで納品となるコンストラクトの総数

発送済数量：
今回の発送に含まれるコンストラクトの数

完了済数量：
本出荷通知を含め、納品が完了となるコンストラクトの数

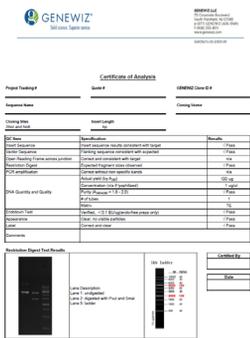
※上記数量については、ご依頼のプロジェクト（コンストラクト）の数となり、納品となるチューブの本数ではありません。

21. 解析証明書 Certification of Analysis

結果を表示するボタンをクリック



納品書が必要なお客様は、**解析証明書 Certification of Analysis のPDF**ファイルをご利用ください。



19. アカウントにログインし、進捗状況を確認できます。

マイオーダー内の『注文概要を表示する』あるいは左側の『追跡番号』をクリックすると進捗の詳細を表示することができます。

ご依頼いただいているプロジェクトにつきまして、対象となる遺伝子の特性等により、納期が追加となるケースがございます。進捗情報につきまして、お問い合わせをご希望の場合は、Project.Japan@azenta.comまで、見積り番号ならびにプロジェクト名をご明記の上、お問い合わせください。また、プロジェクトの進捗が困難と判断された場合には、弊社よりご連絡をさせていただく場合もございます。

20. 中国ラボ出荷時に納品物発送通知が発送されます。

弊社中国ラボ出荷時に、納品物発送通知がメールにて登録いただいたメールへ発送となります。弊社では、通関対応等を弊社スタッフにて対応させていただいておりますため、本メール通知後の3-4日後を目安にお客様のお手元に届くよう対応させていただいております。なお、通関の状況や、祝祭日等の影響により、納品タイミングが前後する場合がございますので、ご理解ください。

なお、九州、中国、四国、北海道等の遠方地区につきましては、納期が1日追加となりますので、予めご了承ください。

20. 解析証明書 兼 納品書を必ずご確認ください。

弊社中国ラボ出荷時に、納品物発送通知がメールにて登録いただいたメールへ発送となります。弊社では、通関対応等を弊社スタッフにて対応させていただいておりますため、本メール通知後の3-4日後を目安にお客様のお手元に届くよう対応させていただいております。なお、通関の状況や、祝祭日等の影響により、納品タイミングが前後する場合がございますので、ご理解ください。

なお、九州、中国、四国、北海道等の遠方地区につきましては、納期が1日追加となりますので、予めご了承ください。

プロジェクト毎に以下のファイルをダウンロードが可能です。

1. 解析証明書 (COAファイル, PDF形式)
2. 最終コンストラクトの配列情報 (*.seq)
3. 合成したフラグメントの配列情報 (*.seq)
4. アライメントファイル (*.SQD)
5. 波形データ (トレースファイル, *.ab1)

解析証明書 : Certification of Analysisには、以下の情報が含まれております。

- ✓ 見積り番号
- ✓ 合成配列名
- ✓ クローニングベクター名
- ✓ クローニングサイト
- ✓ インサート長 (bp)
- ✓ 納品物となるチューブの本数
- ✓ 納品物の濃度

等の情報をご確認いただけます。

ご注文方法、サンプルの調製方法、サンプルの発送方法等、ご不明な点やご質問がございましたら、下記までお問い合わせください。

アゼンタ株式会社 | Azenta Japan Corp.
人工遺伝子合成サービス宛
〒142-0043 東京都品川区二葉二丁目9番15号
NFパークビルディング4階
TEL. 03-6628-2950 | FAX. 03-6628-2951
E-mail. Project.Japan@azenta.com

配列情報



配列の種類* DNA

配列名*

5' 隣接配列の追加 5'隣接配列

配列* ここに配列を入力

配列ファイルのアップロード (gbk, seq, fasta, txt) ⓘ

3' 隣接配列の追加 3'隣接配列

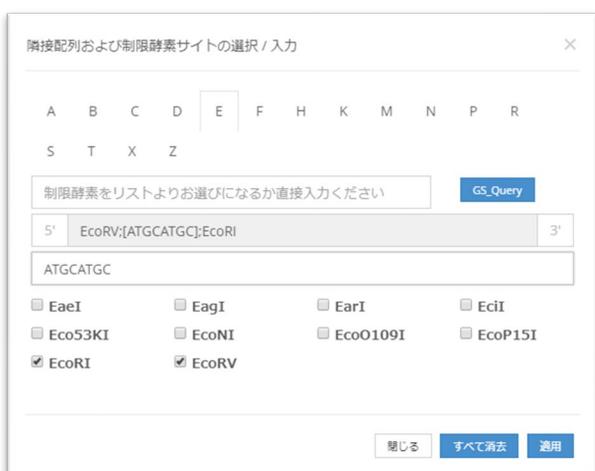
配列の種類 入力する配列の種類（DNAあるいはアミノ酸）をご指定ください。アミノ酸配列の場合、コドン最適化が必要となります。DNA配列の場合は、お客様の目的に合わせて任意でコドン最適化の依頼が可能です。

配列名 ご注文いただく配列の名称をご入力ください。複数の配列をご注文の場合は、配列毎に名称をご入力いただく必要がございます。

5'、3' 隣接配列の追加 制限酵素サイトや任意の配列をご入力いただいた配列に付加する場合にご入力ください。付加配列としてご入力いただいた配列は、コドン最適化による配列変更はございません。

配列ファイルのアップロード 複数の配列を同時に注文する場合、グリッド表示を使用するか、または「ダウンロード / アップロード」のセクションでExcelフォームをダウンロードしてください。

隣接配列および制限酵素サイトの選択・入力



隣接配列および制限酵素サイトの選択 / 入力

A B C D E F H K M N P R
S T X Z

制限酵素をリストよりお選びになるか直接入力ください GS_Query

5' EcoRV:[ATGCATGC]:EcoRI 3'

ATGCATGC

EaeI EagI EarI EciI
 Eco53KI EcoNI EcoO109I EcoP15I
 EcoRI EcoRV

閉じる

EcoRV-ATGCATGC-EcoRI を付加したい場合

1. EcoRVをリストから選択。
2. 付加したい隣接配列を入力。
3. EcoRIをリストから選択。
4. 適用

コドン最適化



コドン最適化

最適化を行う領域* 1-207

発現対象の宿主* 選択してください...

除外すべき制限酵素部位 ベクター

DNA調製スケール

選択してください...
 Arabidopsis thaliana
 Bacillus subtilis
 Cricetulus griseus
 Drosophila melanogaster
 Escherichia coli
Homo sapiens
 Mus musculus
 Nicotiana benthamiana
 Pichia pastoris
 Saccharomyces cerevisiae
 Schizosaccharomyces pombe
 Spodoptera frugiperda
 Trichoplusia ni
 Zea mays
 Other Organism

最適化を行う領域 最適化を希望する領域について、入力した配列中の塩基番号で指定します。最適化の対象となる領域は3の倍数の配列長である必要があります。

発現対象の宿主 コドン最適化の対象となる宿主（ホスト）をご選択ください。プルダウンメニューに無い場合は、Other Organismをご選択いただき、対象となる生物種名を直接入力してください。

除外すべき制限酵素 コドン最適化による配列変更後の配列から除外すべき制限酵素サイトがあれば、ご選択ください。

※ お客様からコドン使用頻度に関する情報を別途ご提出いただくことで、カスタムのコドン最適化をさせていただくことも可能です。別途ご相談ください。
 （コメント欄等へご記入ください）

カスタムクローニング

ベクター

DNA調製スケール

グリセロールストック納品 (お選びいただけます。ご了承ください)

ベクター

DNA調製スケール

グリセロールストック納品 (お選びいただけます。ご了承ください)

ベクター

ベクター名*

5' /3' クローニング部位を指定ください*

5' Restriction Enzyme

3' Restriction Enzyme

ベクター配列

```
ATGAGTGCATTGGTGGTCCGGCGATGGCATGATCAAGTT
AAGAATCAACTTAGGTTCTTGCGGAGCTGGCATACTGATCT
TGATGTTGACGACGCCCCAGGCAACTCCGCAAGCTACTC
CCAAGGACAATGAGATTAGTACGTTCCATAAACCCTGGGTAAC
GTGCACCACCATCATCATCATCATCACTGAGAATTC
```

ベクターのサイズ: 1717bp

配列ファイルのアップロード (gbk, seq, fasta, txt)

ベクターをマイライブラリーに保存

抗生物質の選択*

マイベクターはすでにGENEWIZに保管されています

弊社標準クローニングベクター **pUC57-Kan** (カナマイシン耐性) と **pUC57-Amp** (アンピシリン耐性) は**無償**で利用できます。

- pUC57をご選択いただいた場合のクローニングサイトは**EcoRV**(平滑末端)となり、挿入後5'-**GAT**-保護塩基-合成予定配列-保護塩基-**ATC**-3'となります。また、pUC57ベクターのサイズは凡そ2,600-2,700bpとなりますので、制限酵素による切り出しを予定されている場合は、切り出し後のフラグメントのサイズにご注意ください。
- プラスミド調製時に、メチラーゼによる影響で制限酵素による切り出しができなくなるケースがございますので、ご注意ください。
- 弊社標準クローニングベクターpUC57-KanとpUC57-Ampのマップと全配列情報はこちらで**ダウンロード**できます。

お客様ご指定のベクターへクローニングする場合

5' /3' クローニング部位の指定 選択した制限酵素を用いて、合成した配列をお客様のベクターにクローニングいたします。

ベクター配列 ベクター配列を入力すると、ベクターサイズが自動的に算出されます。ベクターの配列ファイルをアップロードすることも可能です。

ベクターをマイライブラリーに保存配列 ボックスにチェックマークを付けると、このベクターの配列が「マイ配列ライブラリー」に保存されます。ベクターを保存すると、次回ご注文時に遺伝子合成注文フォームのドロップダウンメニューに自動的に追加されます。

抗生物質の選択 カスタムベクターの薬剤耐性遺伝子をご選択/入力ください。

マイベクターはすでにアゼンタに保管されています このボックスは、カスタムベクターがすでにアゼンタに保管されている場合に選択します。該当するベクターを利用した前回のお見積り番号/Tracking#をご記入ください。

プラスミド調製

DNA調製スケール

エンドトキシフリー

グリセロールストック納品 (お選びいただけます。ご了承ください)

DNA調製スケール ミニスケールは標準サービスとして無償となります。ミニスケール以外のラージスケール調製として、Midi, Maxi, Mega, Gigaスケールを選択できます (追加料金有り)。

エンドトキシフリー トランスフェクションレベルのプラスミドの調製サービスを提供します (追加料金有り)。Midiスケール以上でご利用可能です。

調製スケール	予定収量
Mini	約2-4μg
Midi	70-100μg
Maxi	350-500μg
Mega	1.4 - 2 mg
Giga	7 - 10mg
Giga scale以上	別途ご相談ください。コメント欄等へご記入ください

オンラインツールのご紹介



配列解析ツール

ご入力いただいた配列の塩基組成、GC含量、重複配列の解析をすることができます。ご依頼配列が合成困難かどうかの参考にご利用ください。

ユニバーサルプライマー検索ツール

サンガーシーケンス解析サービスをご利用いただけるユニバーサルプライマーがお客様の配列に含まれているかを検索することができます。また、プライマーの方向性 (sense/anti-sense) もご確認いただけます。

コドン最適化ツール (Codon Optimization)

ご入力いただいた配列について、ご利用予定のホストに対してコドンの最適化が可能です。

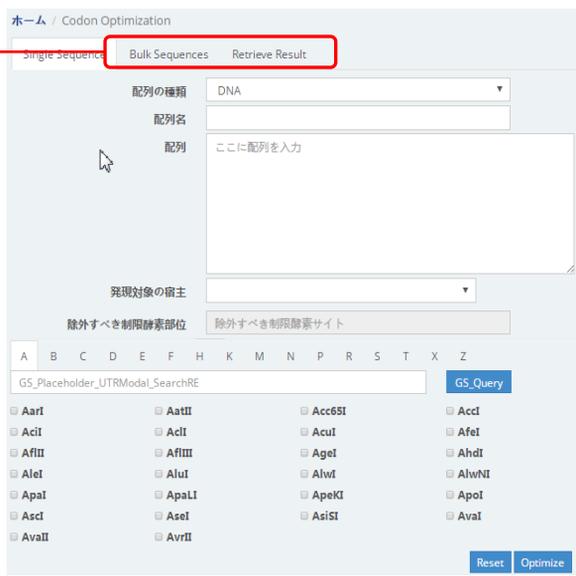
オリゴDNA解析ツール (Oligo Calculation Tool)

オリゴDNAの配列ならびに5' および3' 末端への修飾基をご入力いただくことで、以下の情報をご確認いただけます。

- 相補鎖の配列
- 長さ (nt)
- GC含量 (%)
- Tm (°C)
- 分子量
- 単位吸光度あたりの重量 (ug/OD)
- 推奨の精製グレード

コドン最適化ツールの利用方法

複数の配列を同時に最適化したい場合



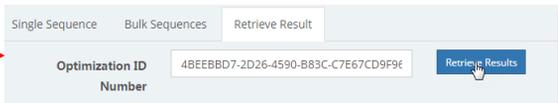
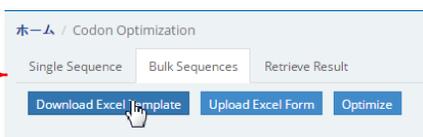
配列の種類 入力する配列の種類 (DNAあるいはアミノ酸) をご指定ください。

配列名 複数の配列を同時にご注文される場合、それぞれを区別するため個別の配列名をご入力ください。

配列 DNAもしくはアミノ酸配列を入力ください。終止コドンを追加する場合、アミノ酸配列の3' 末端に "*" を付加ください。

発現対象の宿主 コドン最適化の対象となる宿主生物をご選択ください。その他の発現宿主を選択した場合は、生物種名を直接入力してください。

除外すべき制限酵素部位 コドン最適化による配列変更後に除外すべき制限酵素サイトをご選択ください。



Bulk Sequenceタブ

Download Excel Templateからエクセルテンプレートをダウンロードし、配列名、配列の種類、配列、宿主情報、除外対象の制限酵素等の情報をご入力ください。必要情報を入力したエクセルをUpload Excel Formからアップロードし、Optimizeをクリックして最適化を実行してください。最適化のリクエスト完了後、メールにてOptimization IDが通知されます。

Retrieve Resultタブ

Optimization IDを入力し、最適化結果をダウンロードしてください。